

**ОПРЕДЕЛЕНИЕ ЧАСТОТ АЛЛЕЛЕЙ ГЕНОВ ДОФАМИНОВОЙ СИСТЕМЫ
У ЖИТЕЛЕЙ БЕЛАРУСИ, СТРАДАЮЩИХ ШИЗОФРЕНИЕЙ,
И У КОНТРОЛЬНОЙ ГРУППЫ**

Шизофрения – психическое заболевание, распространенность которого в мире достигает 1% [1], а его хроническое рецидивирующее течение обуславливает тяжелые когнитивные, эмоциональные и другие нарушения.

Основной метод лечения шизофрении – использование антипсихотических препаратов (нейролептики), воздействие которых обусловлено в первую очередь антагонизмом к дофаминовым рецепторам. Типичные нейролептики эффективны в отношении позитивных симптомов (галлюцинации и бред), но связаны с высоким риском возникновения неблагоприятных побочных эффектов, в первую очередь экстрапирамидных (паркинсонизм, акатия, острая дистония и поздняя дискинезия). Наиболее грозным осложнением является поздняя дискинезия, являющаяся потенциально необратимым двигательным гиперкинетическим расстройством, которое развивается у 20-30% пациентов, находящихся на длительной антипсихотической терапии [2].

Целью работы является проведение молекулярно-генетического анализа частоты встречаемости полиморфных локусов генов дофаминовой системы DRD2 и COMT.

Материалом для работы служили образцы ДНК двух групп пациентов, страдающих шизофренией, – с экстрапирамидными осложнениями и без них, а также представителей популяционной выборки коренных жителей Беларуси (контрольная группа). ДНК выделяли фенольным методом из букального эпителия. Исследование частот встречаемости аллелей вышеуказанных генов проводили методом кПЦР-РВ с использованием зондов TaqMan.

На данном этапе работы проведено генотипирование по полиморфному локусу rs1800497 гена DRD2 для 84 пациентов с осложнениями. Исследовалась однонуклеотидная замена С/Т (А2-аллель/А1-аллель). В результате генотипирования выявлено, что из 84 проанализированных образцов 57 являются гомозиготами по А2-аллелю, 24 – гетерозиготы, 3 – гомозиготы по А1-аллелю.

В дальнейшем планируется генотипирование пациентов без осложнений и представителей популяционной выборки. Предполагается, что полученные результаты позволят выявить генотипы риска по исследуемым генам, связанные с развитием экстрапирамидных осложнений у больных шизофренией.

ЛИТЕРАТУРА

1. Gottesman, I. Schizophrenia genesis: the origins of madness / I. Gottesman. – New York, 1991. – 296 p.
2. Llorca, P., Tardive dyskinesias and antipsychotics: a review / P. Llorca, I. Chereau, F. Bayle, C. Lancon // European Psychiatry. – 2002. – Vol. 17, №3. – P. 129–138.