Н. В. Савина, науч. сотр., С. В. Кубрак канд. биол. наук, вед. науч. сотр., Л. В. Милько, науч. сотр., А. В. Кильчевский д-р биол. наук, проф., акад. (Институт генетики и цитологии НАН Беларуси, г. Минск)

ОПРЕДЕЛЕНИЕ ВИДОВОЙ ПРИНАДЛЕЖНОСТИ ОБРАЗЦА ПРОДУКЦИИ РАСТИТЕЛЬНОГО ПРОИСХОЖДЕНИЯ

В настоящее время растет интерес потребителей к натуральным компонентам питания, несущим потенциальные выгоды для здоровья. Для удовлетворения потребительского спроса крупные компании, производящие продукты питания и напитки, движутся в направлении замены синтетических пищевых красителей на натуральные пигменты растительного происхождения. Производство натуральных красителей значительно дороже синтетических, и, тем не менее, спрос на продукты с «чистой этикеткой», то есть свободные от искусственных добавок, продолжает расти. Среди природных пигментов значительный интерес представляет группа антоцианов — как непосредственно пищевых красителей, так и в качестве компонентов функционального питания. В тестах *in vitro* экспериментально доказана высокая антиоксидантная способность антоцианов, которую связывают с защитой от некоторых форм рака, с улучшением зрения, со снижением риска развития диабета, с усилением когнитивных функций и памяти [1].

В данном исследовании проанализирован коммерческий продукт растительного происхождения - концентрированный сок черной моркови (изготовитель «Gemma Gida Kimya», Турция). Целью являлась видовая идентификация образца молекулярно-генетическими методами. В последние годы черная (фиолетовая) морковь используется в пищевой промышленности как альтернатива синтетическому красителю FD&C Red 40 (аллура красная). Концентрация антоциановых пигментов в фиолетовой моркови значительно превышает их содержание в других фруктах и овощах. Добавление сока черной моркови в готовую соковую продукцию обогащает продукт инулином, влияющим на уровень холестерина в крови, а также рядом биологически активных компонентов, которые улучшают работу сердца, желудка, кишечника и почек. Научные исследования по анализу накопления антоцианов в корнях черной моркови из различных мест произрастания показали, что турецкие сорта накапливают антоцианы во всех слоях корнеплода, демонстрируя наиболее интенсивную фиолетовую окраску [2-4]. Одновременно с появлением новых перспективных ингреди-

ентов возникает проблема их возможной фальсификации, что в конечном итоге может повлиять на здоровье потребителей. Фруктовые соки наряду с оливковым маслом, специями, чаем входят в топ-10 продуктов питания, наиболее подверженных фальсификации. Поэтому актуален поиск надежного, чувствительного и эффективного метода для оценки подлинности соковой продукции. Технологии на основе ДНК оказались полезными для аутентификации пищевых продуктов. Они быстрые, производительные, ниже по себестоимости, хорошо воспроизводимые [5-6]. Для определения видовой принадлежности образца растительного происхождения использовали метод ДНКштрихкодирования. В качестве маркера использовали ДНК-штрихкод psbA-trnH [7]. Последовательность прямого и обратного праймеров и базовые рекомендации по условиям проведения амплификации представлены на сайте CCDB (Canadian Centre for DNA Barcoding). Геномную ДНК выделяли с помощью коммерческого набора COrDIS согласно протоколу производителя (Гордис, РФ). В исследовании использовали образцы концентрированного экстракта сока черной моркови (Extrakt-3) и разведенного концентрата (Extrakt-4-razved). В качестве контроля использовали ДНК, выделенную из корнеплода черной моркови (Daucus atrorubens-5). Для постановки ПЦР использовали реактивы Биолабмикс (РФ), праймеры производства Праймтех (РБ). Амплификацию проводили в термоциклере C1000 Touch Thermal Cycler (BiоRad, США), результаты проверяли в 1,5% агарозном геле. Терминирующую реакцию проводили с использованием коммерческого набора Brilliant Dye Terminator v3.1 Cycle Sequencing Kit (Nimagen, Нидерланды) с последующей очисткой продуктов реакции этанолом. Определение нуклеотидной последовательности проводили на генетическом анализаторе ABI 3500 DNA Analyzer (Applied Biosystems, США). Для каждого образца выполняли анализ в двух повторностях (две пробы из одного продукта) в прямом и обратном прочтении. Хроматограммы сиквенсов анализировали в Sequence Scanner 1.0., результирующая (консенсусная) последовательность для каждого образца получена с помощью модуля ContigExpress Project. Полученные консенсусные последовательности psbA-trnH исследуемых образцов сравнивали с видовой последовательностью ID КС526436.1 моркови черной Daucus carota L. var. atrorubens Alef. из международной базы NCBI BLAST.

В ходе секвенирования ДНК-штрихкода *psbA-trnH* у контрольного образца (*Daucus atrorubens-5*) получен фрагмент размером 252 п.н., у образцов Extrakt-3 и Extrakt-4-razved фрагменты размером 253 п.н. и 221 п.н., соответственно. Полученные последовательности в ви-

де QR-кодов представлены в таблице.

Таблица – Маркерные последовательности psbA-trnH образца

растительного происхождения

		F	
Образец	Extrakt-3	Extrakt-4-razved	Daucus atrorubens-5
Последовательность psbA-trnH			

Множественное выравнивание полученных нами маркерных участков проведено в программе MEGA 4, в сравнение дополнительно были включены две контрольные последовательности *psbA-trnH* из базы данных NCBI BLAST – эталонный образец моркови черной *Daucus carota* L. *var. atrorubens* (КС 526436.1) и козельца испанского *Scorzonera hispanica* L. (LT 722067.1).

Последовательность *psbA-trnH* козельца испанского (скорцонера, чёрный корень) была дополнительно включена в анализ по причине внешней схожести корнеплода с черной морковью. По химическому составу все разновидности скорцонеры богаты микро- и макроэлементами, полисахаридами и аминокислотами, что обуславливает белковую ценность овоща. В ходе анализа выявлено полное совпадение участка *psbA-trnH* концентрированного экстракта (Extrakt-3) и разведенного концентрата (Extrakt-4-razved) с участками *psbA-trnH* ДНК контрольного образца, выделенного из корнеплода черной моркови (*Daucus atrorubens*-5). Сравнение концентрированного экстракта (Extrakt-3) и разведенного концентрата (Extrakt-4-razved) с эталонным образцом КС 526436.1 из международной базы данным выявило сходство на 100%. Сходства предоставленного для исследования биологического растительного материала с материалом *Scorzonera hispanica* (скорцонеры) не обнаружено (рис. 1).

DNA Sequences Translated Protein Sequences	
Extrakt-3-psb	AAATATITITGAATGATCAAAAASGAATCCTTIGAAATGCAAATAAATAAAAGAAAACTGGCGGGGCSGATGTASCC
Extrakt-4-razved-psb	AAATATIIIIGAAIGAICAAAAAGGAAICCIIIGAAAIGCAAAIRAAIAAAAGAAAACIGGCGGGGCGGAIGIAGCC
Daucus atrorubens-5-psb	AAATATIIIIGAAIGAICAAAAAGGAAICCIIIGAAAIGCAAAIRAAIAAAAGARAACIGGCGGGGCGGAIGIAGCC
Daucus carota var. atrorubens Alef	AAATATITIIGAATGAICAAAAAGGAATCCIIIGAAATGCAAATAAATAAAAGAAAACTGGCGGGGCGG
Scorzonera hispanica psbA-trnH (LT722	TAATIICAA CCIAAAAA GA TAA IIII GCITA IIIA IIIACIII GA III CATAAA TAAGAA GAAA TAATA TGCICIIIIIIIII

1 строка – последовательность *psbA-trnH* образца Extrakt-3; 2 строка – последовательность образца Extrakt-4-razved; 3 строка – последовательность образца *Daucus atrorubens*-5; 4 строка – эталонный участок черной моркови КС 526436.1; 5 строка – эталонный участок скорцонеры LT 722067.1

Рисунок 1 — Результат сравнения маркерных последовательностей *psbA-trnH*

Таким образом, с помощью метода ДНК-штрихкодирования установлено, что переданный на исследование образец растительного происхождения («Gemma Gida Kimya», Турция) достоверно (100%) является концентрированным соком черной моркови (*Daucus carota* L. *var. atrorubens* Alef.).

Растущее внимание потребителей к функциональному питанию и более здоровой диете обуславливает эволюцию рынка продуктов питания. В свою очередь, подлинность продуктов питания вызывает серьезную озабоченность как у потребителей, так и у производителей. Необходим надежный метод для точной видоидентификации материала растительного происхождения, и технологии на основе ДНК, в том числе метод ДНК-штрихкодирования, являются достоверным методом аутентификации пищевых продуктов.

ЛИТЕРАТУРА

- 1. Carrot Anthocyanins Genetics and Genomics: Status and Perspectives to Improve Its Application for the Food Colorant Industry / M. Iorizzo [e tal.] // Genes. 2020. Vol. 11, 906. P.1–36; doi:10.3390/genes11080906.
- 2. Cebeci, E. Effects of growing location and cold storage on nutritional values of purple carrot (Daucus carota ssp. sativus var. atrorubens Alef.) genotypes / E. Cebeci, F. Hanci // Applied Ecology and Environmental Research. 2019. Vol. 17, N 6. P. 15245-15254; doi: http://dx.doi.org/10.15666/aeer/1706_1524515254.
- 3. Müller, R. UV-B Exposure of Black Carrot (*Daucus carota ssp. sativus var. atrorubens*) Plants Promotes Growth, Accumulation of Anthocyanin, and Phenolic Compounds / R. Müller // Agronomy. 2019. Vol. 9, N 323. P. 2-12; doi:10.3390/agronomy9060323.
- 4. Polyphenolic profile and biological activities of black carrot crude extract (*Daucus carota L. ssp. sativus var. atrorubens* Alef.) / A.Smeriglio [et al.] // Fitoterapia. 2018. Vol.124. P.49-57.
- 5. Dasenaki, M. E. Quality and Authenticity Control of Fruit Juices. Review / M.E. Dasenaki, N.S. Thomaidis // Molecules. 2019. Vol. 24, N 1014. P.1–35; doi:10.3390/molecules24061014.
- 6. Advances of DNA-based methods for tracing the botanical origin of food products / P. Madesis [et al.] // Food Research International. 2013. http://dx.doi.org/10.1016/j.foodres.2013.10.042.
- 7. Hollingsworth, P.M. Choosing and using a plant DNA barcode / P.M. Hollingsworth, S.W. Graham, D.P. Little // PLoS One. 2011. Vol. 6 (5). e19254. doi: 10.1371/journal.pone.0019254.